

# **2-Interleukina (IL-2) eta IL-15 seinalizazio-bidezidorrkak T linfozitoetan: antzekoak baina aldi berean ezberdinak**

*Nerea Osinalde\**

Biokimika eta Biologia Molekularra Saila, Farmazia Fakultatea  
(UPV/EHU)

*Virginia Sánchez Quiles, Vyacheslav Akimov, Blagoy Blagoev, Irina Kratchmarova*

Biokimika eta Biologia Molekularra Saila, University of Southern Denmark  
(SDU)

*Miren Josu Omaetxebarria*

Biokimika eta Biologia Molekularra Saila, Zientzia eta Teknologia Fakultatea  
(UPV/EHU)

\* nerea.osinalde@ehu.eus

DOI: 10.1387/ekaia.14584

Jasoa: 2015-06-01

Onartua: 2015-06-17

**Laburpena:** 2-interleukina (IL-2) eta IL-15 zitokinek berebiziko garrantzia daukate sistema immunologikoaren erregulazioan, besteak beste T linfozitoen proliferazioa sustatzen dutelako. Zitokina biek bi hartzale-azpiunitate partekatzen dituztenez (IL-2R $\beta$  eta IL-2R $\gamma$ ) ez da harritzekoak teilakututako hainbat funtzio izatea, baina bai da harrigarria, ordea, bakoitzak erantzun immunologiko espezikoak eta maiz kontrajarriak eragitea. Nahiz eta mekanismo asko proposatu diren IL-2 eta IL-15 arteko desberdintasunak azaltzeko, ez dago argi nola den posible biek, hartzale berdinak erabiltzen dituztelarik, zelulatan erantzun desberdinak sustatzea. Horren gakoa aurkitzeko asmoz, IL-2 eta IL-15ez kitzikatutako T-zelulatan piztutako seinalizazio-bidezidorrak aztertu eta elkarren artean konparatu ditugu, masa-espektrometria erabilita. Gure lanak erakutsi du bi zitokinek kitzikatutako T linfozitoen seinalizazio-sareak oso parekoak izan arren, badirela ñabardura batzuk bi zitokinen arteko alde funtzionala azaltzen lagun dezaketenak.

**Hitz gakoak:** IL-2, IL-15, seinalizazio bidezidorrak, T linfozitoak, masa-espektrometria.

**Abstract:** IL-2 and IL-15 are key cytokines regulating the immune system in part by promoting T-cell proliferation. Both cytokines signal through the same receptor subunits (IL-2R $\beta$  and IL-2R $\gamma$ ) and not surprisingly they exert some overlapping functions. However they also have specific and even sometimes opposing roles raising the para-

digm of how they mediate distinct immune responses by using the same receptors. Although several options have been suggested, it remains controversial the molecular mechanism underlying the functional dichotomy of IL-2 and IL-15. Aiming to find the key to answering such enigma, we assessed and compared by mass spectrometry the signaling networks activated by both cytokines. Our study revealed that the transduction pathways initiated by IL-2 and IL-15 are highly similar but not identical since we detected faint differences that may account for the functional discrepancy observed between both cytokines.

**Keywords:** IL-2, IL-15, signaling pathways, T lymphocytes, Mass Spectrometry.

## 1. SARRERA

Agente patogenoen aurkako lehian IL-2ak eta IL-15ak berebiziko garrantzia daukate; izan ere, gure inmunologia-sistema pizteko ahalmena daukate, besteak beste T-zelulen proliferazioa sustatz [1]. Ez da harritze-ko bi zitokinek hainbat funtzio partekatzea, izan ere haien seinalea zelulan zehar barreiatzeko erabiltzen dituzten bi hartziale-azpiunitate berdinak baitira (IL-2R $\beta$  eta IL-2R $\gamma$ ). Aldi berean, baina, zitokina bakoitza gai da besteak bete ezin ditzakeen funtzio espezifikoak betetzeko. Esaterako, IL-2ak norberaren aurka jarduten duten T-zelulak deuseztatu ditzake eta, aldi, IL-15a gai da prozesu hori bera galarazteko [2].

Azken hamarkadan ikerketa ugari bideratu dira IL-2 eta IL-15 arteko paradoxa argitzena, hots, nola gauzatu ditzaketen erantzun zelular desberdinak hartziale berdinak erabiliz. Hainbat mekanismo proposatu diren arren [3, 4], gai honek eztabaidegarri dirau oraindik ere. Hain zuen ere, IL-2 eta IL-15 arteko alde funtzionalek berebiziko inplikazioak dituzte bi zitokinen erabileran minbizia bezalako gaitzei aurre egiteko [5]. Gaur egun minbizia erasotzeko estrategiarik itxaropentsuenetako da immunoterapia, zeinak immunitate-sistema indartuz tumoreak desagertaraztea duen helburu. Hainbat modutan manipulatu daiteke norbanakoaren immunitate-sistema tumore-zelulak modu eraginkorragoan deuseztatu ditzan. Besteak beste, frogatu da posible dela tumoreak suntsitza gaixoetan genetikoki eraldatutako T-zelulak txertatu eta haien hazkundea bultzatzuz [6]. Minbiziaren aurkako immunoterapiaren T linfozitoen hazkundea kitzikatzeko IL-2a da gaurkoz gaixoei gehien ematen zaien zitokina. Halere, IL-2aren administrazioaren ondorioz behatutako albo-kalte desatsegina direla eta, ezinbestekoa da minbizia erasotzeko estrategia eraginkorrago eta seguruagoak garatzea [7]. Hain justu, IL-15a da etorkizunean IL-2a ordezkatuz immunoterapiaren era-biltzeko aukerak dituen zitokina, IL-2aren erabilerarekin lotutako kalteak eragin gabe T linfozitoen hazkundea bultzatzeko duen ahalmena dela eta [8]. Bistakoa da IL-2ak eta IL-15ak inmunologia-sistema erregulatzeko duten ahalmenaren gaineko jakintza sakonagoak izugarri hedatu duela tera-

## *2-Interleukina (IL-2) eta IL-15 seinalizazio-bidezidorrok T linfozitoetan: antzeakoak baina aldi berean ezberdinak*

pia berrien garapena. Hala eta guztiz ere, interleukinen erabilerak dakartzan muga eta toxizitate kontuak direla eta, ezinbesteko da IL-2ak eta IL-15ak kitzikatutako seinalizazio bidezidorren are ezagumendu zehatzagoa izatea, etorkizunean eraginkorragoak eta hain oldarkorrak ez diren terapiak garatu ahal izateko.

Aspalditik dakigu, interleukinak zelula-mintzean txertatuta dauden har-tzaileetara lotu bezain laster, seinaldea zelulan zehar barriatzen dela, bereziki proteinetan gertatzen diren behin-behineko fosforilazio prozesuen bitartez. Gai honen inguruan gaur egun daukagun jakintza gehiena biokimikako metodo tradizionalak erabiliz bildutakoa da, non aldiro proteina bakar batek edo gutxi batzuek seinalizazioaren hedapenean zuten funtzioa aztertzen zen. Izan ere, orduko baliabideekin ezinezkoa zen seinalizazio-sareak, horren sistema konplexuak izanik, beren osotasunean aztertzea.

Azken urteotan, aldiz, fosforilatutako proteinen aberasketa-metodoek, hala nola masa espektrometriaren egondako garapenek, izugarrizko bultzakada eman diote fosforilazio bidez erregulatutako seinalizazio-bidezidorren azterketari [9]. Masa-espektrometria (MS) proteinak identifikatzeko tresnarik era-biliena da gaur egun. Proteinak zatitu eta sortutako zatiki edo peptidoak masa -espektrometroaren bidez aztertzen dira. Hain zuzen ere, zatiki horien masa bai eta zatikien apurketaren ondorioz sortutako zatiki are txikiagoen masa kalkulatzen du masa-espektrometroak. Ondoren, datu horiek guztiak database batekin alderatzen dira programa informatikoaren laguntzaz, proteinaren identitatea ezagutu ahal izateko. Horrez gain, MS proteinak kuantifikatzeko ere erabil daiteke eta jada hamaika estrategia garatu dira horretarako, besteak beste SILAC (*Stable isotope labeling of aminoacids in cell culture*) delakoa [10]. SILAC estrategian, zelulen proteomak masa desberdinako aminoazi-doekin markatzen dira eta ondoren mota bakoitzari tratamendu bat egokitzen zaio. Proteinak erauzi ostean, guztiak batu eta lagin bakarra bailiran prozesatzen dira, azkenik MSan aztertzeko. Masa differentzia dela eta, jatorri desberdinako proteinak banandu egiten dira MSan eta, haien ugaritasunak konparatuz, kuantifikazio erlatiboa egiten da. Jada ikerketa askok frogatu dute SILACean oinarritutako lan-fluxuak oso egokiak direla zitokinek piztutako bidezidorrok aztertzeko [11-14].

Hau guzia dela eta, gure ikerketaren helburua IL-2 eta IL-15 zitokinek T-zeluletan sustatutako seinalizazio-sareak aztertu eta konparatzea da, horretarako SILACean oinarritutako proteomika kuantitatiboaren abantailez baliatuko garelarik.

## **2. EMAITZAK**

IL-2 eta IL-15ek T linfozitoetan piztutako bidezidorrok aztertzeko, 1. irudian adierazitako prozedura jarraitu genuen. T-zelulen 3 popula-

zio 3 masa ezberdinak aminoazidoz markatu ziren; marka arinena-rekin markatutako zelulak kitzikatu gabe utzi ziren kontrol gisa era-biltzeko, eta tarteko markaketarekin eta astunarekin hazitakoak, aldiz, IL-2 eta IL-15ez kitzikatu ziren, hurrenez hurren. Ondoren, proteinak erauzi, ekitatiboki nahastu eta fosforilatutako proteinak antigorputzen bidez aberastu ostean, MS bidez analizatu ziren fosforilatutako proteina horiek.



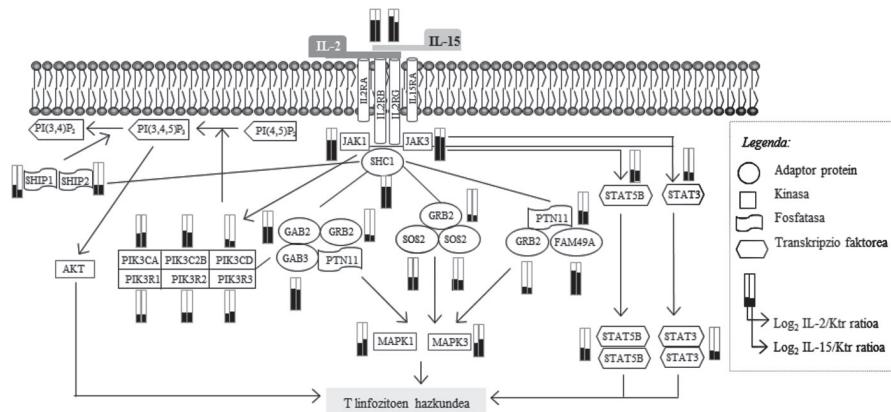
**1. irudia.** IL-2 eta IL-15az kitzikatutako T linfozitoe-tan fosforilatutako proteinak detekatzeko lan-fluxua.

Guztira 1255 proteina kuantifikatu genituen egindako esperimentu beraren bi saioetan. Horietatik guztietatik IL-2aren eta IL-15aren kitzikapenaren ondorioz fosforilatutako proteinak interesatzen zitzaizkigunez, kontrolarekin alderatuz baldintza horietan aberastutako proteiniei erreparatu genien, hots, IL-2/Kontrol>1.5 edota IL-15/ Kontrol>1.5 aurkezten zuten proteiniei. Orotara 41 proteina aberastu ziren T-zelulak zitokinekin 5 minutuz kitzikatu ostean. IL-2aren eta IL-15aren hartzaleez gain, bidezidor nagusienetako proteina ugari aurkitu genituen gure azterketan, hots JAK/STAT, RAS/MAPK eta AKT/PI3K seinalizazio-bideetan parte hartzen duten hainbat proteina egokitziale, hala nola kinasa, fosfatasa eta transkripzio faktore, besteak beste. 2.irudian ikus daitekeen bezala, egindako esperimentuan batu ziren datu guztiekin gai izan ginen IL-2ak eta IL-15ak piztutako seinalizazio-sare nagusiak berreraikitzeko. MSan oinarritutako estrategiaren ahalmena agerian utzi zuen horrek.

2. irudiko proteina bakoitzaren ondoan, MS bidez eginiko proteinen kuantifikazio erlatiboaren emaitza ikus daiteke, barra beltz itxuran. Ikus daitekeen bezala, IL-2 eta IL-15 bidezko tratamenduen ondorioz lortu-

## 2-Interleukina (IL-2) eta IL-15 seinalizazio-bidezidorra T linfozitoetan: antzekoak baina aldi berean ezberdinak

tako emaitzak ia berdinak dira. Horrenbestez, beste hainbat lanekin bat eginen [15, 16], ondorioztatu daiteke IL-2ak eta IL-15ak piztutako seinalizazio bidezidorra oso antzekoak direla T-zeluletan.

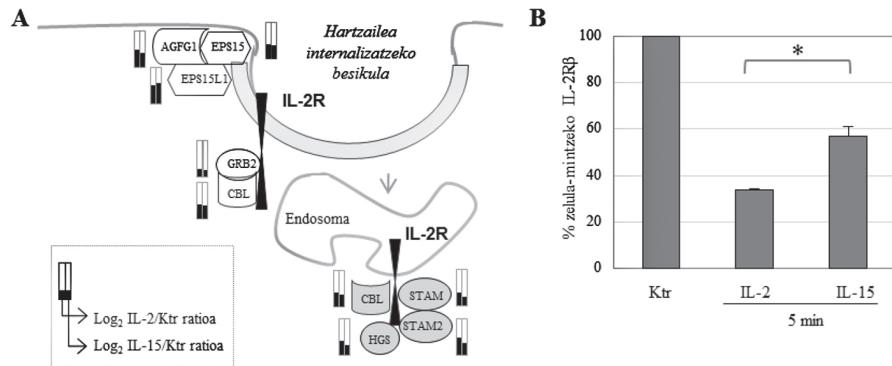


**2. irudia.** IL-2 eta IL-15ak sustatutako seinalizazio-bidezidorren berreraikitza.

Hori horrela izanik ere eta diferentzia oso nabarmena ez izan arren, gure datuek erakusten zuten interleukina-hartzileen barneratze-prozesuan eta horrenbestez seinalearen indargetzean parte hartzen zuten proteina batzuk neurri desberdinean fosforilatzen zirela IL-2 eta IL-15ez kitzikatutako T linfozitoetan. 3a irudian grisez margotuta azaltzen den proteina taldea IL-2 zein IL-15 tratamenduen ondorioz aberastu zen. Halere, IL-2aren bidezko tratamenduaren ondorioz aberasketa handiagoa izan zen. Horrek iradokitzen zuen seinalearen ahultze-mekanismoak lehenago pizten direla IL-2z tratatutako zeluletan.

Hipotesi hori frogatzeko, bi zitokinek partekatzen duten eta zelulen mintzean txertatuta dagoen IL-2R $\beta$  hartzalea antigorputz fluoreszente batekin markatu zen. Ondoren, zelulak IL-2 eta IL-15ekin inkubatu ziren 5 minutuz eta berriz ere zelulen gainazaleko fluoreszentzia neurtu zen fluxu zitometriaz. 3b irudian ikus daitekeen bezala, IL-15ez tratatutako zeluletan mintzeko IL-2R $\beta$ -aren %40 desagertu zen; IL-2z kitzikatutako zeluletan, berriz, desagerpena are nabarmenagoa zen; % 60koa hain zuen ere.

Emaitza hauek baieztatzen zuten proteomikako datuek jada iradokitzen zutena, hots, IL-15arekin alderatuz IL-2ak arinago edo indartsuago pizten dituela seinalearen ahultze-mekanismoak T-zeluletan, horrek berebiziko eragina duelarik seinalearen beraren iraunkortasunean.



**3. irudia.** IL-2ak arinago pizten ditu seinalizazioa indargetzeko mekanismoak IL-15ak baino. (A) Interleukina-hartzaleen barneratze-prozesuan parte hartzen duten proteinak. Proteomika analisian identifikatu eta kuantifikatu ziren蛋白 hauek. (B) IL-2 eta IL-15 zitokinek partekatzen duten IL-2R $\beta$  hartzalearen presenzia tratatu gabeko eta zitokinekin tratatutako T linfozitoen mintzean, ehunekoan adierazita. (\*t-test  $p < 0,05$ ).

### 3. ONDORIOAK

Oro har, jarraitutako lan-fluxua IL-2ak eta IL-15ak sustatutako seinalizazio bidezidorra aztertzeko oso egokia izan dela ondorioztatu daiteke. Izan ere, saiakera bakar batean gai izan baikara, oso bestelako funtzioak bete arren, seinalearen hedapenean modu koordinatuan parte hartzen duten蛋白 ugari identifikatzeko, eta horrela, IL-2aren eta IL-15aren bidezidorren eskema orokor bat eraikitzeo. Beste hainbat ikerketarekin bat eginet, gure azterketak erakutsi du IL-2ak eta IL-15ak oso antzeko seinalizazio-ahalmena daukatela T-zeluletan. Halere, guztiz berdinak ez direla frogatu dugu; izan ere, IL-2ak seinalizazioa indargetzeko mekanismoak IL-15ak baino arinago edo eraginkorrago sustatzen ditu, eta horrek, zalan-tzarik gabe, bi zitokinek eragindako seinaleen iraunkortasuna baldintzatzen du.

### 4. ESKER ONA

Lan hau burutzeko honako erakundeen laguntza jaso dugu: Novo Nordisk Foundation, The Lundbeck Foundation eta The Augustinus Foundation.

## 5 BIBLIOGRAFIA

- [1] MA, A., KOKA, R. eta BURKETT, P. 2006. «Diverse functions of IL-2, IL-15, and IL-7 in lymphoid homeostasis». *Annual review of immunology*, **24**, 657-679.
- [2] MARKS-KONCZALIK, J., DUBOIS, S., LOSI, J.M., SABZEVARI, H., YAMADA, N., FEIGENBAUM, L., WALDMANN, T.A. eta TAGAYA, Y. 2000. «IL-2-induced activation-induced cell death is inhibited in IL-15 transgenic mice». *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, **97**, 11445-11450.
- [3] RING, A.M., LIN, J.X., FENG, D., MITRA, S., RICKERT, M., BOWMAN, G.R., PANDE, V.S., LI, P., MORAGA, I., SPOLSKI, R. et al. 2012. «Mechanistic and structural insight into the functional dichotomy between IL-2 and IL-15». *Nature immunology*, **13**, 1187-1195.
- [4] TONIER, S.W. eta SCHLUNS, K.S. 2010. «Trans-presentation: a novel mechanism regulating IL-15 delivery and responses». *Immunology Letters*, **127**, 85-92.
- [5] WALDMANN, T.A. 2006. «The biology of interleukin-2 and interleukin-15: implications for cancer therapy and vaccine design». *Nature Reviews Immunology*, **6**, 595-601.
- [6] DUDLEY, M.E. eta ROSENBERG, S.A. 2003. «Adoptive-cell-transfer therapy for the treatment of patients with cancer». *Nature reviews Cancer*, **3**, 666-675.
- [7] MALEK, T.R. eta CASTRO, I. 2010. «Interleukin-2 receptor signaling: at the interface between tolerance and immunity». *Immunity*, **33**, 153-165.
- [8] JAKOBISIAK, M., GOLAB, J. eta LASEK, W. 2011. «Interleukin 15 as a promising candidate for tumor immunotherapy». *Cytokine & Growth Factor Reviews*, **22**, 99-108.
- [9] WHITE, F.M. 2008. «Quantitative phosphoproteomic analysis of signaling network dynamics». *Current opinion in biotechnology*, **19**, 404-409.
- [10] ONG, S.E., BLAGOEV, B., KRATHCMAROVA, I., KRISTENSEN, D.B., STEEN, H., PANDEY, A. eta MANN, M. 2002. «Stable isotope labeling by amino acids in cell culture, SILAC, as a simple and accurate approach to expression proteomics». *Molecular & cellular proteomics*, **1**, 376-386.
- [11] BLAGOEV, B.; KRATHCMAROVA, I.; ONG, S.E.; NIELSEN, M.; FOSTER, L.J. eta MANN, M. 2003. «A proteomics strategy to elucidate functional protein-protein interactions applied to EGF signaling». *Nature Biotechnology*, **21**, 315-318.
- [12] KRATHCMAROVA, I., BLAGOEV, B., HAACK-SORENSEN, M., KASSEM, M. eta MANN, M. 2005. «Mechanism of divergent growth factor effects in mesenchymal stem cell differentiation». *Science*, **308**, 1472-1477.
- [13] KRUGER, M., KRATHCMAROVA, I., BLAGOEV, B., TSENG, Y.H., KAHN, C.R. eta MANN, M. 2008. «Dissection of the insulin signaling path-

- way via quantitative phosphoproteomics». *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, **105**, 2451-2456.
- [14] OSINALDE, N., MOSS, H., ARRIZABALAGA, O., OMAETXEVARRIA, M.J., BLAGOEV, B., ZUBIAGA, A.M., FULLAONDO, A., ARIZMENDI, J.M. eta KRATHCMAROVA, I. 2011. «Interleukin-2 signaling pathway analysis by quantitative phosphoproteomics». *Journal of proteomics*, **75**, 177-191.
- [15] ARNEJA, A.; JOHNSON, H.; GABROVSEK, L.; LAUFFENBURGER, D.A. eta WHITE, F.M. 2014. «Qualitatively different T cell phenotypic responses to IL-2 versus IL-15 are unified by identical dependences on receptor signal strength and duration». *Journal of Immunology*, **192**, 123-135.
- [16] ZAMBRICKI, E., SHIGEOKA, A., KISHIMOTO, H., SPRENT, J., BURAKOFF, S., CARPENTER, C., MILFORD, E. eta MCKAY, D. 2005. «Signaling T-cell survival and death by IL-2 and IL-15. *American Journal of Transplantation*, **5**, 2623-2631.